|  |
| --- |
| **A remplir par le demandeur** |
| **Partie générale** | **Date de la demande** | ../../…. |
| **Acronyme du projet** | Titre demande MAMA |
| **Numéro demande MAMA** | *xxxxxxxxx* |
| **Titre de la demande** | Matériel biologique / Types d’analyses |
| **Responsable du projet** | Prénom NOM, courriel |
| **Institut / Unité / Équipe****Adresse** | Adresse |
| **Nature de la demande :**  | [ ]  Prestation | [ ]  Collaboration Scientifique P2M2 impliqué : Nom |
| **Nom du projet financeur ou ligne budgétaire ou adresse de facturation** | Facturation |
| **Coordonnées des personnes responsables des échantillons** | Prénom NOM, courriel |
| **Date butoir pour les résultats**  | ../../…. |
| **Description et objectifs de la demande** (12 lignes maximum) | Description |
| **Echantillons** | **Nature des échantillons** | plante/organe/cellule/compartiment subcellulaire |
| **État des échantillons** | [ ]  Forme brute Préciser : Type d’échantillon[ ]  Forme extraite, protocole P2M2 Préciser : Type d’extraction[ ]  Forme extraite, autre protocole Préciser : Type d’extraction |
| **Extraction à prévoir**  | [ ]  Oui [ ]  Non |
| **Risques associés aux échantillons** | Traitement : produits chimiques, agents pathogènes, *etc.* |
| Niveau de confinement : [ ]  NS1 [ ]  NS2 (cocher si OGM) |
| **Si analyses non ciblées, description détaillée du protocole d’obtention des échantillons**(présence de PEG, sels, Triton, *etc.*) | Protocole d’obtention des échantillons |

|  |  |
| --- | --- |
| **Prestations** | [ ]  **Prestations analytiques** (cocher les cases correspondantes et préciser le nombre d'échantillons (n) par analyse) |
| **Profilage métabolique ciblé** | **Profilage isotopique ciblé (GC-MS)** |
| **Métabolisme central** | [ ]  Acides aminés | n *= x* | [ ]  Sucres, acides organiques et acides aminés par dérivés TMS (quantification relative) | n = *x* |
| [ ]  Acides gras (graines de colza) | n = *x* | [ ]  Acides organiques et acides aminés par dérivés TBDMS (quantification absolue) | n = *x* |
| [ ]  Sucres, polyols et acides organiques | n = *x* | **Profilage métabolique non ciblé** |
| **Métabolisme spécialisé** | [ ]  Flavonols | n = *x* | [ ]  Profilage non ciblé **LC-MS** | n = *x* |
| [ ]  Glucosinolates | n = *x* | [ ]  Profilage non ciblé **LC-HRMS**Mode d’ionisation : [ ]  Positif [ ]  Négatif | n = *x* |
| [ ]  Isothiocyanates | n = *x* | **Analyses complémentaires** |
| [ ]  Polyphénols simples (liste limitée) | n = *x* |
| [ ]  Tanins condensés (procyanidines totales et degré de polymérisation moyen) | n = *x* | [ ]  Analyses statistiques multivariées | n = *x* |
| [ ]  Composés Organiques Volatils (COVs) | n = *x* | [ ]  Dosage global carbone et azote | n = *x* |
| **Forme des résultats souhaitée** | **Analyses ciblées :**[ ]  Données brutes (non traitées)[ ]  Calculs de concentrations/teneurs (données traitées)**Analyses non ciblées :**[ ]  Données brutes (non traitées), Format : type[ ]  Données prétraitées (sortie d’algorithme)[ ]  Données traitées et annotées  |
| [ ]  **Développement méthodologique** |
| [ ]  **Analyse de molécules hors catalogue**[ ]  **Ingénierie logicielle, traitement des données** |
| **Précisez votre demande** | Type de molécules, type d’analyses, type de retraitement, développement logiciels |
| **Protocoles disponibles** | Lien vers protocoles/publications |
| **Coordonnées des personnes souhaitant participer au développement** | Prénom NOM, courriel |
| [ ]  **Formation** |
| **Objet de la formation** | [ ]  Analyses phytochimiques au catalogue[ ]  Traitement des données |
| **Coordonnées des personnes à former** | Prénom NOM, courriel, statut professionnel |