|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **A remplir par le demandeur** | | | |
| **Partie générale** | **Date de la demande** | ../../…. | |
| **Acronyme du projet** | Titre demande MAMA | |
| **Numéro demande MAMA** | *xxxxxxxxx* | |
| **Titre de la demande** | Matériel biologique / Types d’analyses | |
| **Responsable du projet** | Prénom NOM, courriel | |
| **Institut / Unité / Équipe**  **Adresse** | Adresse | |
| **Nature de la demande :** | Prestation | Collaboration  Scientifique P2M2 impliqué : Nom |
| **Nom du projet financeur ou ligne budgétaire ou adresse de facturation** | Facturation | |
| **Coordonnées des personnes responsables des échantillons** | Prénom NOM, courriel | |
| **Date butoir pour les résultats** | ../../…. | |
| **Description et objectifs de la demande**  (12 lignes maximum) | Description | |
| **Echantillons** | **Nature des échantillons** | plante/organe/cellule/compartiment subcellulaire | |
| **État des échantillons** | Forme brute  Préciser : Type d’échantillon  Forme extraite, protocole P2M2  Préciser : Type d’extraction  Forme extraite, autre protocole  Préciser : Type d’extraction | |
| **Extraction à prévoir** | Oui  Non | |
| **Risques associés aux échantillons** | Traitement : produits chimiques, agents pathogènes, *etc.* | |
| Niveau de confinement :  NS1  NS2 (cocher si OGM) | |
| **Si analyses non ciblées, description détaillée du protocole d’obtention des échantillons**  (présence de PEG, sels, Triton, *etc.*) | Protocole d’obtention des échantillons | |

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Prestations** | **Prestations analytiques** (cocher les cases correspondantes et préciser le nombre d'échantillons (n) par analyse) | | | | |
| **Profilage métabolique ciblé** | | | **Profilage isotopique ciblé (GC-MS)** | |
| **Métabolisme central** | Acides aminés | n *= x* | Sucres, acides organiques et acides aminés par dérivés TMS (quantification relative) | n = *x* |
| Acides gras (graines de colza) | n = *x* | Acides organiques et acides aminés par dérivés TBDMS (quantification absolue) | n = *x* |
| Sucres, polyols et acides organiques | n = *x* | **Profilage métabolique non ciblé** | |
| **Métabolisme spécialisé** | Flavonols | n = *x* | Profilage non ciblé **LC-MS** | n = *x* |
| Glucosinolates | n = *x* | Profilage non ciblé **LC-HRMS**  Mode d’ionisation :  Positif  Négatif | n = *x* |
| Isothiocyanates | n = *x* | **Analyses complémentaires** | |
| Polyphénols simples (liste limitée) | n = *x* |
| Tanins condensés (procyanidines totales et degré de polymérisation moyen) | n = *x* | Analyses statistiques multivariées | n = *x* |
| Composés Organiques Volatils (COVs) | n = *x* | Dosage global carbone et azote | n = *x* |
| **Forme des résultats souhaitée** | | **Analyses ciblées :**  Données brutes (non traitées)  Calculs de concentrations/teneurs (données traitées)  **Analyses non ciblées :**  Données brutes (non traitées), Format : type  Données prétraitées (sortie d’algorithme)  Données traitées et annotées | | |
| **Développement méthodologique** | | | | |
| **Analyse de molécules hors catalogue**  **Ingénierie logicielle, traitement des données** | | | | |
| **Précisez votre demande** | | Type de molécules, type d’analyses, type de retraitement, développement logiciels | | |
| **Protocoles disponibles** | | Lien vers protocoles/publications | | |
| **Coordonnées des personnes souhaitant participer au développement** | | Prénom NOM, courriel | | |
| **Formation** | | | | |
| **Objet de la formation** | | Analyses phytochimiques au catalogue  Traitement des données | | |
| **Coordonnées des personnes à former** | | Prénom NOM, courriel, statut professionnel | | |